

THÔNG TIN KỸ THUẬT CHUNG

Số lượng gen	73 gen
Kỹ thuật	Guardant360 sử dụng công nghệ giải trình tự điện tử độc quyền xác định tín hiệu của từng biến dị trong hệ gen của bệnh nhân từ những dữ liệu nhiễu loạn có được từ kỹ thuật giải trình tự gen thế hệ mới tiêu chuẩn (standard next-generation sequencing NGS), xác định những biến dị đột biến điểm, nhân đoạn, hợp đoạn hay mất/thêm đoạn, những đột biến sinh dưỡng. Phương pháp này giúp Guardant360 có độ nhạy đơn phân tử, độ đặc hiệu đến 99.999%, cao nhất trong tất cả phương pháp giải trình tự gen.
Hiệu suất	Giải trình tự điện tử đạt độ đặc hiệu gần hoàn hảo.
Hội đồng cố vấn khối u	Có
Các liệu pháp được báo cáo	Dữ liệu được chứng nhận trên 15000 bệnh nhân
Số lượng mẫu được chứng nhận	

GIẢI TRÌNH TỰ HOÀN TOÀN Ở CÁC EXON ĐƯỢC XÉT NGHIỆM*

Đột biến điểm (SNVs) 73 Gen					Mất/thêm đoạn 23 Gen		Khuếch đại 18 Gen		Dung hợp 6 Gen
AKT1	ALK	APC	AR	ARAF					
ARID1A	ATM	BRAF	BRCA1	BRCA2	ATM	APC			
CCND1	CCND2	CCNE1	CDH1	CDK4	ARID1A	BRCA1			
CDK6	CDKN2A	CTNNB1	DDR2	EGFR	BRCA2	CDH1	AR	BRAF	
ERBB2 (HER2)	ESR1	EZH2	FBXW7	FGFR1	CDKN2A	EGFR	CCND1	CCND2	ALK
FGFR2	FGFR3	GATA3	GNA11	GNAQ	ERBB2	GATA3	CCNE1	CDK4	FGFR2
GNAS	HNF1A	HRAS	IDH1	IDH2	KIT	MET	CDK6	EGFR	FGFR3
JAK2	JAK3	KIT	KRAS	MAP2K1/MEK1	MLH1	MTOR	ERBB2	FGFR1	NTRK1
MAP2K2/MEK2	MAPK1/ERK2	MAPK3/ERK1	MET	MLH1	NF1	PDGFRA	FGFR2	KIT	RET
MPL	MTOR	MYC	NF1	NFE2L2	PTEN	RB1	KRAS	MET	ROS1
NOTCH1	NPM1	NRAS	NTRK1	NTRK3	SMAD4	STK11	MYC	PDGFRA	
PDGFRA	PIK3CA	PTEN	PTPN11	RAF1	TP53	TSC1	PIK3CA	RAF1	
RB1	RET	RHEB	RHOA	RIT1	VHL				
ROS1	SMAD4	SMO	STK11	TERT**					
TP53	TSC1	VHL							

* Exon được chọn để tối ưu hóa đột biến sinh dưỡng đã biết. Danh sách có sẵn nếu được yêu cầu.

** Bao gồm vùng khởi đầu phiên mã TERT.